**第二十一届全国植物基因组学大会**

**第二轮会议通知**

为充分展示植物基因组研究领域的最新成果和进展，推动我国植物基因组学研究的深入和农业生物技术产业的快速发展，定于2021年8月19 - 22日在广西南宁召开第二十一届全国植物基因组学大会。大会将邀请国内外植物基因组学相关领域取得突出成果并具有重要学术影响的专家学者和优秀青年科学家进行学术报告。组委会诚挚邀请国内外同行参加本次大会。

**会议时间：**2021年8月19日报到，8月20-22日会议

**会议地点：**南宁荔园维景国际大酒店

**主办单位：**中国遗传学会植物与基因组专业委员会

**承办单位：**广西大学、中国科学院遗传与发育生物学研究所

**协办单位：**亚热带农业生物资源保护与利用国家重点实验室

**主 席：**张启发

**执行主席：**杨维才

**组委会成员：**曹晓风、陈晓亚、陈学伟 种 康、崔晓峰、巩志忠、顾红雅、韩 斌、郝东云、何光存、姜里文、康振生、黎 家、黎志康、刘建祥、刘耀光、马正强、欧阳亦聃、裴 炎、戚益军、邱丽娟、孙其信、武维华、严建兵、杨淑华、张宪省、左建儒

**Program Committee成员：**巩志忠、顾红雅、黄三文、田志喜、吴昌银、王佳伟、王晓武、徐明良、严建兵、杨淑华、左建儒

**地方组委会：**曹坤芳、陈保善、陈玲玲、冯家勋、何龙飞、何新华、何正国、李建雄、李有志、刘云峰、罗继景

**大会秘书处：**肖景华、于 昕、任 静、肖明杰、蒙 冰、黄 婧

**已接受邀请大会报告人：**

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
|  | **姓名** | **单位** | **报告题目** |
|  | 陈立余 | 福建农林大学 | The red pineapple genome and the domestication of clonally propagated plants  |
|  | 陈玲玲 | 广西大学 | Constructing gap-free genome and pan-genome in crops  |
|  | 傅向东 | 中国科学院遗传与发育生物学研究所 | Improving nitrogen use efficiency towards sustainable green revolution |
|  | 高彩霞 | 中国科学院遗传与发育生物学研究所 | Next generation CRISPR technologies and their applications in crop improvement |
|  | 关雪莹 | 浙江大学 | Non-coding genes in adaptive evolution of polyploid cotton |
|  | 郭亮 | 华中农业大学 | Dissection of the genetic basis of natural variation of seed oil content in *Brassica napus* |
|  | 黄三文 | 中国农业科学院农业基因组研究所 | Genomic design of hybrid potato |
|  | 贾桂芳 | 北京大学 | Epitranscriptome engineering-based boost of crop productivity |
|  | 焦远年 | 中国科学院植物研究所 | The *Aristolochia fimbriata* genome: insights into angiosperm evolution, floral development and chemical biosynthesis |
|  | 孔凡江 | 广州大学 | The genetic and genomic bases of soybean photoperiod flowering and adaptation |
|  | 李云峰 | 西南大学 | Molecular mechanism of spikelet development in rice |
|  | 刘云峰 | 广西大学 | Dissection of the regulation of small nuclear RNAs (snRNAs) in *Arabidopsis* |
|  | 鲁非 | 中国科学院遗传与发育生物学研究所 | *Triticum* population sequencing unveils adaptive evolution of polyploid wheat |
|  | 罗杰 | 海南大学 | Variation of plant metabolism – from single gene to gene cluster  |
|  | 欧阳亦聃 | 华中农业大学 | A journey to understanding speciation based on the rice model |
|  | 戚益军 | 清华大学 | Genome-wide identification of RNA-chromatin interactions reveals co-regulatory networks of gene expression in *Arabidopsis* |
|  | 田志喜 | 中国科学院遗传与发育生物学研究所 | Graph based pan-genome of wild and cultivated soybeans |
|  | 王二涛 | 中国科学院分子植物科学卓越创新中心 | Plant-microbe symbioses and nutrient uptake |
|  | 王海峰 | 广西大学 | Epigenetic and genetic mechanism for expression bias of homologous alleles in polyploid sugarcane |
|  | 王海洋 | 华南农业大学 | Functional genomics studies accelerate molecular breeding of maize |
|  | 王兴春 | 山西农业大学 | Establishment of a mini foxtail millet with an *Arabidopsis*-like life cycle as a C4 model system |
|  | 王勇 | 中国科学院分子植物科学卓越创新中心 | Genome-enabled synthetic biology research of plant bioactive products |
|  | 魏桐 | 深圳华大生命科学研究院 | The domestication history of cultivated lettuce revealed by resequencing of 445 *Lactuca* accessions  |
|  | 吴俊 | 南京农业大学 | The genetic basis and molecular breeding of fruit traits in pear |
|  | 许操 | 中国科学院遗传与发育生物学研究所 | ROS regulated reversible protein phase separation synchronizes plant flowering  |
|  | 严建兵 | 华中农业大学 | The genetic mechanism of heterosis utilization in maize improvement  |
|  | 杨芳 | 华中农业大学 | The epigenetic control of inflorescence development in maize |
|  | 杨靖 | 国家蛋白质科学中心 | Mapping and quantification of the cysteine redoxome |
|  | 杨淑华 | 中国农业大学 | Molecular mechanism of cold tolerance in maize |
|  | 余泓 | 中国科学院遗传与发育生物学研究所 | A route to *de novo* domestication of wild allotetraploid rice |
|  | 张积森 | 福建农林大学 | Genomic insights into the recent chromosome reduction and polyploidization of complex autopolyploid sugarcane *S*. *spontaneum* |
|  | 张立新 | 河南大学 | The DnaJ proteins DJA6 and DJA5 are essential for chloroplast iron-sulfur cluster biogenesis |
|  | 张亮生 | 浙江大学 | The genome, origin and diversity of angiosperms  |
|  | 张兴坦 | 中国农科院深圳农业基因组研究所 | Haplotype-resolved genome assembly provides insights into evolutionary history of the tea plant *Camellia sinensis* |
|  | 赵毓 | 华中农业大学 | Histone deacetylases control lysine acetylation ofribosomal proteins in rice |
|  | 赵忠 | 中国科学技术大学 | WUSCHEL triggers innate antiviral immunity in plant stem cells |
|  | 钟思林 | 香港中文大学 | Understand plant gene expression at the epigenome and cistrome levels |

**学生报告人：**

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
|  | **姓名** | **单位** | **报告题目** |
|  | 陈园园 | 华中农业大学 | Genome-wide association mapping of the maize leaf and kernel ionome provides a route for cadmium cropremediation |
|  | 顾周琳 | 中国科学院分子植物科学卓越创新中心 | A comprehensive analysis of cytoplasmic and nuclear genome variations demonstrates trajectory and future improvement strategies of hybrid rice breeding |
|  | 刘芬梅 | 广西大学 | Structural basis for zinc-induced activation of a zinc uptake transcriptional regulator  |
|  | 张焕凯 | 山东农业大学 | Auxin Response Factor 3 specifies apical stem cell niches via the histone acetylation regulatory protein complex |
|  | 周聪 | 武汉大学 | Balancing selection and wild gene pool contribute to resistance in global rice germplasm against planthopper |

**一、会议注册**

1、会议采取网上注册。会议注册网址为：<http://www.plantgenomics.cn>. 注册开放日期为2021年5月1日 - 7月31日。

2、注册费标准：

6月30日前：在职代表1800元/人；研究生1400元/人

7月1日 - 7月31日：在职代表2000元/人；研究生1600元/人

7月31日后：只接受现场缴费，2500元/人

说明：

1. 以上收费标准以实际付款时间为准。
2. 缴费方式：在线支付（推荐）、银行汇款、现场缴费。通过银行汇款的参会代表请务必附言“缴费姓名＋基因组”，多人同时缴费请在附言列出所有参会人姓名。缴费后请及时上传汇款凭证，以便核对查询。
3. 银行转账汇款信息：

户 名：中国遗传学会

开户银行：中国工商银行北京市大屯路支行

帐 号：0200244509200016507（请务必附言：缴费姓名＋基因组）

1. 已注册并缴费但未能参会者，注册费不予退回，可由他人代替参会。
2. 发票发放及领取：在会议现场领取纸质发票。

**二、论文摘要和墙报：**

**论文摘要：**请参会代表在会议网站上提交（摘要模板请至网站“下载中心”）。请用标准英语撰写摘要，文责自负。

**墙 报：**大会鼓励墙报交流，并评选优秀墙报奖，颁发证书和奖金。墙报由大会统一制作，（墙报模板请至网站“下载中心”），请在7月20日前通过大会网站上传。

**三、会议住宿：**

本次会议委托会务公司代为预订酒店住宿，详细信息请见会议网站通知。参会代表也可以自行预订周边住宿。

更多信息请查看大会网站：http://www.plantgenomics.cn/

第二十一届全国植物基因组学大会组委会

中国遗传学会植物与基因组专业委员会

2021年7月26日